

“Procedura aperta telematica, ai sensi dell’art. 60 del D.Lgs. 50/2016 e s.m. e i., per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”

Verbale n. 1

(Seduta pubblica virtuale)

Il giorno 02.08.2023, presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1 della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, è presente il Responsabile del Procedimento, di seguito Rup, dott.ssa Flavia Conte, nominata con Deliberazione n. 533 del 05.05.2023, per la prima seduta pubblica virtuale della procedura aperta di cui al titolo.

Ai sensi dell’art. 58 del Codice, la procedura di gara è svolta tramite una piattaforma telematica di negoziazione. In particolare è utilizzata la piattaforma S.TEL.LA (Sistema per gli Acquisti Regione Lazio), così come previsto dal Disciplinare di gara.

Il Rup accede alla piattaforma S.TEL.LA tramite la propria utenza e avvia la seduta pubblica virtuale alle ore 14:00.

Il Rup accerta che, entro il termine di scadenza per la presentazione delle offerte, fissato alle ore 12:00 del giorno 02.08.2023 risultano collocate sulla piattaforma S.TEL.LA le offerte telematiche dei seguenti operatori economici per i Lotti a fianco specificati, così come elencate nella tabella sottostante in ordine di invio:

Ragione sociale	Codice fiscale	Partita Iva	Lotti offerti	Data e ora ricezione
ROCHE DIAGNOSTICS S.p.A.	10181220152	IT10181220152	1	31/07/2023 12:34:13
ELITECHGROUP S.P.A.	05239350969	IT05239350969	2,3	31/07/2023 13:33:52
RTI ROCHE DIAGNOSTICS S.p.A. - ELETTROBIOCHIMICA	10181220152	IT10181220152	3	31/07/2023 11:54:56
BECTON DICKINSON ITALIA	00803890151	IT00803890151	4	31/07/2023 09:00:52
BIOMERIEUX ITALIA SPA	07146020586	IT01696821006	4	01/08/2023 10:29:47

Il Rup procede ad apertura della Busta Documentazione, contenente la documentazione amministrativa allegata in fase di sottomissione dell’offerta dagli operatori economici, e verifica la conformità dei documenti caricati a sistema rispetto a quanto indicato dal punto 15 del Disciplinare di gara e dà comunicazione ai concorrenti, a mezzo del sistema telematico, che vista la voluminosità della documentazione scaricata, la verifica in merito alle dichiarazioni sul possesso dei requisiti di partecipazione, rese dagli operatori economici nell’ambito della Domanda di partecipazione e di DGUE, saranno effettuate in successive sedute riservate.

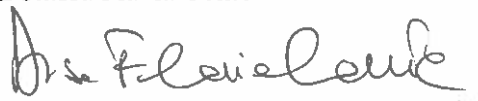
Il Rup, pertanto, renderà noto sulla piattaforma di negoziazione S.TEL.LA l’esito delle suddette sedute riservate conclusive della valutazione amministrativa che, in caso di insussistenza di vizi e irregolarità, comporterà l’ammissione di tutte le offerte collocate su detta piattaforma alla successiva fase di valutazione tecnica.

La seduta virtuale pubblica viene chiusa alle ore 14:52.

Letto, approvato e sottoscritto.

Il RUP:

F.to Dott.ssa Flavia Conte



“Procedura aperta telematica, ai sensi dell’art. 60 del D.Lgs. 50/2016 e s.m. e i., per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”

Verbale n. 2

(Seduta riservata)

Il giorno 12.09.2023 presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1 della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, è presente il Responsabile del Procedimento, di seguito Rup, dott.ssa Flavia Conte, nominato con Deliberazione n. 533 del 05.05.2023, procede alle valutazioni di competenza in esito alle risultanze di cui alla prima seduta pubblica del 02.08.2023 di apertura della Busta Documentazione Amministrativa.

Il RUP procede a rendere noto l’esito conclusivo della valutazione amministrativa, contrassegnando lo stato di tutti gli operatori economici come ammessi alla procedura di gara, tramite l’apposita funzionalità predisposta dalla piattaforma S.TEL.LA, e di seguito invia comunicazione di ammissione al prosieguo di gara a tutti i partecipanti, tramite piattaforma stessa.

Letto, approvato e sottoscritto.

Il RUP:

F.to Dott.ssa Flavia Conte



**“Procedura aperta in ambito comunitario, ai sensi dell’art. 60 del D. Lgs. 50/2016 e s.m. e i.,
espletata in modalità telematica, per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di
consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione
PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”**

Verbale n. 3
(Seduta pubblica virtuale)

In data 25.09.2023 presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1 della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, si riunisce la Commissione giudicatrice della procedura di cui al presente titolo, nominata con Deliberazione n. 1072 del 21/09/2023 nella seguente composizione:

Dott. Pierpaolo Paba	Presidente
Prof.ssa Michela Biancolella	Componente
Ing. Paolo Abundo	Componente

Sono presenti tutti i membri della Commissione, che risulta così regolarmente costituita.

E’ presente in funzione di segretario verbalizzante la Dr.ssa Manuela Marzetti, collaboratore amministrativo presso la UOC Acquisizioni forniture, servizi e lavori della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata.

Alle ore 11:00 la Commissione accede alla piattaforma tramite l’utenza del Presidente e avvia la seduta pubblica virtuale di apertura delle Buste Tecniche.

Sblocca la documentazione tecnica presentata dai concorrenti e procede alla verifica della presenza e conformità dei documenti rispetto alle prescrizioni indicate al paragrafo 16 del Disciplinare di gara.

La Commissione accerta che la documentazione prodotta dai concorrenti è conforme alle prescrizioni di gara, ammettendo pertanto tutte le offerte al prosieguo della procedura e rinviando l’esame di merito alle successive sedute riservate.

La seduta pubblica virtuale viene chiusa alle ore 11:41.

Letto, approvato e sottoscritto.

La Commissione

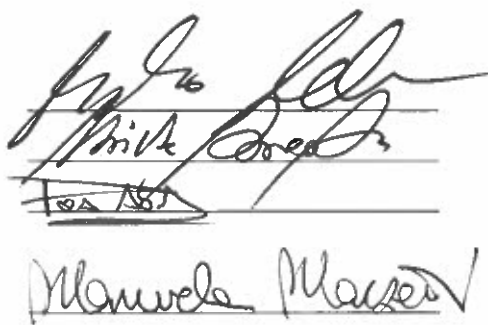
Dott. Pierpaolo Paba

Prof.ssa Michela Biancolella

Ing. Paolo Abundo

Il Segretario verbalizzante

Dr.ssa Manuela Marzetti



The image shows three handwritten signatures on a document. The first signature is at the top, followed by two more. Below the signatures, there is a small rectangular stamp that reads "10/09/2023".

**“Procedura aperta in ambito comunitario, ai sensi dell’art. 60 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.,
espletata in modalità telematica, per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di
consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione
PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”**

Verbale n. 4
(Seduta riservata)

Il giorno 3 ottobre 2023 alle ore 10:00, presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1 della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, si riunisce in seduta riservata la Commissione giudicatrice della procedura di cui al presente titolo.

Sono presenti tutti i membri della Commissione che risulta essere così composta:

Dott. Pierpaolo Paba	Presidente
Prof.ssa Michela Biancolella	Componente
Ing. Paolo Abundo	Componente

La Commissione inizia i lavori di competenza in merito all’analisi, esame e valutazione delle offerte tecniche presentate dai concorrenti ammessi alla procedura di gara.

Il Presidente evidenzia che, la procedura viene aggiudicata secondo il criterio dell’offerta economicamente più vantaggiosa individuata sulla base del miglior rapporto qualità/prezzo nel seguente rapporto: offerta tecnica punteggio massimo 70 – offerta economica punteggio massimo 30.

Il punteggio dell’offerta tecnica è attribuito sulla base dei criteri di cui all’Allegato 1A “Criteri di Valutazione” del Disciplinare di gara. Ai sensi dell’art. 95, comma 8 del Codice, è prevista una soglia minima di sbarramento pari a 36 punti. Saranno pertanto escluse dalla procedura le offerte che dopo la valutazione tecnica non avranno conseguito un punteggio tecnico pari o superiore a 36 punti.

La Commissione procede a esaminare la descrizione dei Lotti oggetto di gara nonché i criteri di valutazione e relativi punteggi riportati nel Disciplinare di gara.

Per ciascun Lotto di gara, la Commissione procederà preliminarmente a verificare la conformità delle caratteristiche dei prodotti offerti con quelle espressamente richieste ed indicate nella documentazione di gara, accertando che i prodotti siano rispondenti ai requisiti minimi previsti. Successivamente effettuerà la valutazione per ogni singolo criterio, assegnando i relativi giudizi e convertendo detti giudizi in punteggi secondo quanto di seguito illustrato.

Al riguardo il Presidente richiama l’attenzione della Commissione su quanto indicato nel Disciplinare di gara in merito alle attività di valutazione delle offerte tecniche di cui al punto 18.2 “*Metodo per il calcolo del punteggio dell’offerta tecnica*”.

I punteggi verranno attribuiti secondo le modalità di seguito indicate:

- punteggi identificati con la lettera "D" indicano i "Punteggi discrezionali", vale a dire attribuiti sulla base del giudizio formulato dalla Commissione giudicatrice in funzione delle caratteristiche offerte tra quelli di seguito riportati: "ottimo", "distinto", "buono", "discreto", "sufficiente", "insufficiente". Ad ogni giudizio corrisponde l'attribuzione di una differente percentuale di punteggio massimo attribuibile e segnatamente: "ottimo=100%", "distinto=80%", "buono=60%", "discreto=40%", "sufficiente= 20%", "insufficiente= 0%";
- I punteggi identificati con la lettera "Q" indicano i "Punteggi quantitativi", vale a dire i punteggi il cui coefficiente è attribuito mediante applicazione di una formula matematica, che tiene conto dell'unità di misura indicata nella colonna "Unità di misura";
- i punteggi identificati con la lettera "T" indicano i "Punteggi tabellari", vale a dire i punteggi fissi e predefiniti che sono attribuiti o non attribuiti in ragione dell'offerta o mancata offerta di quanto specificamente richiesto.

Il punteggio tecnico totale assegnato a ciascuna offerta è dato dalla somma dei punteggi attribuiti ai singoli criteri.

Le valutazioni effettuate dalla Commissione nella seduta odierna sono riferite al Lotto 1, per il quale ha proposto offerta l'operatore economico Roche Diagnostics S.p.A., e riportate in dettaglio nel prospetto allegato al presente verbale quale parte integrante e sostanziale, dove sono riportati:

1. punteggi per singolo criterio;
2. valutazioni effettuate dalla Commissione per singolo criterio, relativi giudizi assegnati e corrispondenti punteggi;
3. punteggio totale assegnato risultante dalla somma dei punteggi assegnati ai singoli criteri.

Le valutazioni effettuate dalla Commissione nella seduta odierna sono nel dettaglio riportate nel prospetto in formato excel (Allegato 1), allegato quale parte integrante e sostanziale al presente verbale di gara.

La seduta riservata viene chiusa alle ore 14:00.

Letto, approvato e sottoscritto.

La Commissione

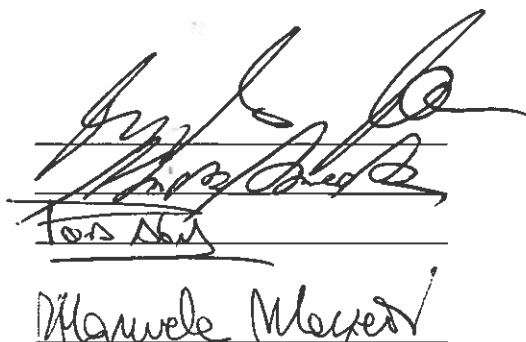
Dott. Pierpaolo Paba

Prof.ssa Michela Biancolella

Ing. Paolo Abundo

Il Segretario verbalizzante

Dr.ssa Manuela Marzetti



CRITERI OGGETTO DI VALUTAZIONE				ROCHE DIAGNOSTICS S.P.A.							
LOTTO 1				Valore/Giudizio Dott. Pala	Punteggio Dott. Pala	Valore/Giudizio Dott.ssa Biancolilla	Punteggio Dott.ssa Biancolilla	Valore/Giudizio Ing. Abundo	Punteggio Ing. Abundo	Punteggio medico	Punteggio definitivo (promotivo)
	Indicatore di valutazione Strumentazione	Punteggio Massimo	Modalità assegnazione punteggio								
1	Elavara Automazione con minimo intervento dell'operatore. Tempo di caricamento della sonda analitica (24 campioni). Per tempo di caricamento si intende il tempo espresso in minuti necessario per le seguenti operazioni: Preparazione dello strumento, caricamento reagenti, campioni, materiale di consumo e avvio della sonda analitica (specificare le varie attività e il tempo necessario a svolgerle)	4	Discrezionale	In un turno lavorativo di 8 ore è richiesto un solo operatore che sarà impegnato per 25 minuti giornalieri per le seguenti operazioni: Caricamento di 24 campioni, 5 minuti, Caricamento dei reagenti e dei controlli, 10 minuti, Caricamento dei consumabili 5 minuti, Rimozione dei rifiuti 5 minuti. No manutenzione giornaliera, no calibrazione. Il grado di automazione è molto elevato e l'intervento dell'operatore è ridotto al minimo. Giudizio: OTTIMO	1	Sono richiesti 25 min/die per tutte le operazioni necessarie a processare 24 campioni. Non è necessaria calibrazione o manutenzione giornaliera. Automazione elevata. Giudizio Ottimo	1	Per il tempo di lavorazione (25 min/die per tutte le operazioni necessarie per processare 24 campioni), non necessità di calibrazione o manutenzione giornaliera, nonché per l'alto livello di automazione, si assegna OTTIMO	1	1	4
2	Numero di campioni processabili in 8 h	6	(V'istmo/V'max) x punteggio max	384 campioni processabili in 8 h.	6	384 campioni processabili in 8 h.	6	384 campioni processabili in 8 h.	6	6	6
3	Caricamento in continuo dei campioni, dei reagenti e consumabili durante la seduta in corso (specificare il numero max campioni)	5	(V'istmo/V'max) x punteggio max	225 campioni caricabili in continuo.	5	225 campioni caricabili in continuo.	5	225 campioni caricabili in continuo.	5	5	5
4	Utilizzo del tubo primario (K2E EDTA 9mg 5 ml)	2	SI/NO	SI, è previsto utilizzo del tubo primario K2E EDTA 9mg 5 ml.	2	SI, è previsto utilizzo del tubo primario K2E EDTA 9mg 5 ml.	2	SI, è previsto utilizzo del tubo primario K2E EDTA 9mg 5 ml.	2	2	2
5	Separazione fisica degli ambienti (area di caricamento, processazione ed amplificazione dei campioni)	5	Discrezionale	Il cobas® 6800 è dotato di sistema filtro Air-Lock che consente la separazione fisica degli ambienti (area di caricamento,processazione ed amplificazione dei campioni) sulla parte superiore del modulo di trasferimento e presente inoltre un'apertura di forma conica per l'immissione d'aria aria a garantire l'ingresso nel modulo di ana filtrata. Questa unità è composta da una ventola, un pre-filtro e da un filtro HEPA. Giudizio OTTIMO	1	Il cobas® 6800 è dotato di ambienti separati (area di caricamento, processazione ed amplificazione dei campioni). E' garantita l'immissione di aria filtrata grazie alla presenza di una apertura di forma conica. Questa unità è composta da una ventola, un pre-filtro e da un filtro HEPA. Giudizio OTTIMO	1	Per la divisione in ambienti separati del cobas® 6800 (area di caricamento, processazione ed amplificazione dei campioni), per la garanzia di immissione di aria filtrata grazie alla presenza di una apertura di forma conica, nonché per la dedizione di ventola, di un pre-filtro e di un filtro HEPA, si assegna OTTIMO	1	1	5
6	Fornitura di un elenco di installazioni di sistemi simili esistenti ed in routine presso altri centri italiani comparabili, per numerosità di tipologie e quantità richieste, a quanto presente nel capitolato del PTV	4	Discrezionale	I centri indicati nell'allegato 6.7 fornito non contemplano centri importanti sia della realtà romana come l'Imbrito 1 e Policlinico Gemelli sia di realtà nazionale come il Sant'Orsola di Bologna, il Policlinico San Matteo di Pavia, il Policlinico di Milano. Giudizio BUONO	0,6	I centri indicati nell'allegato 6.7 fornito non contemplano centri importanti e simili per routine diagnostica al PTV. Giudizio BUONO	0,6	Le strutture indicate hanno un'attività non paragonabile a realtà di spicco nel contesto sanitario regionale e nazionale, per cui si assegna BUONO.	0,6	0,6	2,4
7	Possibilità di utilizzare un'unica provetta campione per tutti i test	2	SI /NO	E' possibile utilizzare la medesima provetta. SI	2	E' possibile utilizzare la medesima provetta. SI	2	E' possibile utilizzare la medesima provetta. SI	2	2	2
8	Stumentazione di ultima generazione o ricondizionata	1	0 nuova; 0 ricondizionata	Stumentazione ricondizionata	0	Stumentazione ricondizionata	0	Stumentazione ricondizionata	0	0	0
9	Possibilità di offrire soluzioni con ridotta produzione di rifiuti nel caso di mutate condizioni dell'attività del Laboratorio (documentare)	5	Discrezionale	La ditta, in caso di riduzione dell'attività, propone il sistema cobas® 5800 che utilizza gli stessi reagenti dei sistemi cobas® 6800/8800. Il cobas® 5800, grazie alla presenza di due termociclatori, consente di ottenere 144 risultati in 8 ore e fino a 528 risultati in 24 ore. Giudizio DISTINTO	0,8	Viene proposto il sistema cobas® 5800 che utilizza gli stessi reagenti dei sistemi cobas® 6800/8800 e garantisce una routine adeguata. Giudizio Distinto	0,8	In relazione all'utilizzo da parte del sistema cobas5800 degli stessi reagenti dei sistemi cobas 6800/8800, garantendo una routine adeguata, si assegna DISTINTO.	0,8	0,8	4
Indicatore di valutazione reagenti											
10	Elavara sensibilità L&D HIV (IU/ml)	3	(V'min / V'istmo) x punteggio max	La sensibilità dei test è di 8,46 IU/mL.	3	La sensibilità dei test è di 8,46 IU/mL.	3	La sensibilità dei test è di 8,46 IU/mL.	3	3	3
11	Elavara sensibilità L&D HIV (IU/ml)	3	(V'min / V'istmo) x punteggio max	La sensibilità dei test è di 2,4 IU/mL.	3	La sensibilità dei test è di 2,4 IU/mL.	3	La sensibilità dei test è di 2,4 IU/mL.	3	3	3
12	Elavara sensibilità L&D HIV (copie/ml)	3	(V'min / V'istmo) x punteggio max	La sensibilità dei test è di 13,2 copie/ml.	3	La sensibilità dei test è di 13,2 copie/ml.	3	La sensibilità dei test è di 13,2 copie/ml.	3	3	3
13	Conservazione reagenti, controlli e calibranti a 2-8 °C	4	SI/NO	I reagenti, calibranti e controlli possono essere conservati a 2-8 °C. SI	4	I reagenti, calibranti e controlli possono essere conservati a 2-8 °C. SI	4	I reagenti, calibranti e controlli possono essere conservati a 2-8 °C. SI	4	4	4
14	Minimo volume utilizzato dei campione	5	(V'min / V'istmo) x punteggio max	200 microlitri.	5	200 microlitri.	5	200 microlitri.	5	5	5
15	Minimo volume richiesto dei campione	5	(V'min / V'istmo) x punteggio max	350 microlitri.	5	350 microlitri.	5	350 microlitri.	5	5	5
16	Tempo di stabilità a bordo di tutti i reagenti inclusi i controlli e calibranti dopo l'apertura (giorni)	5	Discrezionale	90 giorni di stabilità a bordo. In funzione della routine diagnostica del laboratorio che non è uguale per tutti i parametri richiesti ed in funzione della organizzazione interna del personale si ritiene che la soluzione proposta sia BUONA	0,6	90 giorni di stabilità a bordo. La routine diagnostica del laboratorio non è uguale per tutti i parametri richiesti. Giudizio BUONO.	0,6	Considerato che la stabilità a bordo è di 90 giorni e rilevando che la routine diagnostica del laboratorio non è uguale per tutti i parametri richiesti, si assegna BUONO	0,6	0,6	3
17	Numero di Gruppi/Sottogruppi di HIV amplificabili	3	Discrezionale	Il test cobas® HIV-1 consente di rilevare ed amplificare i seguenti Gruppi/Sottogruppi: HIV-1M (A-D, F-H, CRP01, A-E, CRP02, A-G), HIV-1Q, HIV-1N. Il numero e la tipologia dei sottogruppi garantisce una OTTIMA qualità dei test offerti.	1	Il test cobas® HIV-1 consente di rilevare ed amplificare i seguenti Gruppi/Sottogruppi: HIV-1M (A-D, F-H, CRP01, A-E, CRP02, A-G), HIV-1Q, HIV-1N. Il numero e la tipologia dei sottogruppi garantisce una OTTIMA qualità dei test offerti.	1	Il test cobas® HIV-1 consente di rilevare ed amplificare i seguenti Gruppi/Sottogruppi: HIV-1M (A-D, F-H, CRP01, A-E, CRP02, A-G), HIV-1Q, HIV-1N. Si assegna Ottimo.	1	1	3
18	Tracciabilità dei lotti dei reagenti e possibilità di tracciabilità lotti/campione	1	SI /NO	E' garantita la tracciabilità di lotto e campione per tutto il processo. SI	1	E' garantita la tracciabilità di lotto e campione per tutto il processo. SI	1	E' garantita la tracciabilità di lotto e campione per tutto il processo. SI	1	1	1
19	Reagenti pronti all'uso, descrizione delle varie fasi di preparazione	3	Discrezionale	Per tutti i reagenti NON sono necessarie operazioni di ristrutturazione, preparazione, scongelamento, travaso, micelamento. Giudizio OTTIMO	1	Non è necessaria nessuna operazione preliminare. Giudizio Ottimo	1	Considerando che non è necessaria nessuna operazione preliminare, si assegna OTTIMO.	1	1	3
20	Tempi di risoluzione intervento correttivo inferiore a quanto richiesto nel capitolato tecnico	1	(V'min / V'istmo) x punteggio max	Il tempo di risoluzione offerto è di 4 h.	1	Il tempo di risoluzione offerto è di 4 h.	1	Il tempo di risoluzione offerto è di 4 h.	1	1	1
TOTALE:					70						
PUNTEGGIO TECNICO COMPLESSIVO 64,40											

Handwritten signature

Handwritten signature

“Procedura aperta in ambito comunitario, ai sensi dell’art. 60 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i., espletata in modalità telematica, per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”

Verbale n. 5
(Seduta riservata)

Il giorno 05 ottobre 2023, presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1 della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, si riunisce in seduta riservata la Commissione giudicatrice della procedura di cui al presente titolo.

Sono presenti tutti i membri della Commissione che risulta essere così composta:

Dott. Pierpaolo Paba	Presidente
Prof.ssa Michela Biancolella	Componente
Ing. Paolo Abundo	Componente

La Commissione riprende i lavori di competenza in merito all’analisi, esame e valutazione delle offerte tecniche presentate dai concorrenti ammessi alla procedura di gara.

In particolare, la Commissione inizia l’attività d’esame con riferimento Lotto 2, per il quale ha proposto offerta l’operatore economico Elitechgroup S.p.A.

Le valutazioni effettuate dalla Commissione nella seduta odierna riferite al citato Lotto 2 sono riportate in dettaglio nel prospetto allegato al presente verbale quale parte integrante e sostanziale, dove sono riportati:

1. punteggi per singolo criterio;
2. valutazioni effettuate dalla Commissione per singolo criterio, relativi giudizi assegnati e corrispondenti punteggi;
3. punteggio totale assegnato risultante dalla somma dei punteggi assegnati ai singoli criteri.

La Commissione prosegue con l’esame delle offerte tecniche presentate per il Lotto 4 dagli operatori Biomerieux S.p.A. e Becton Dickinson Italia S.p.A., rilevando la necessità di sospendere detta attività di analisi in attesa di ulteriore approfondimento di alcuni aspetti attinenti i contenuti dei file caricati a sistema e costituenti le sopracitate offerte, necessario per l’attribuzione dei punteggi previsti dalla *lex specialis*.

Si procede pertanto con l’approvazione delle valutazioni effettuate per il Lotto 2, allegando al presente verbale, quale parte integrante e sostanziale, il relativo prospetto di cui in superiori premesse (Allegato 1).

La seduta riservata viene chiusa alle ore 13:30.

Letto, approvato e sottoscritto.

La Commissione

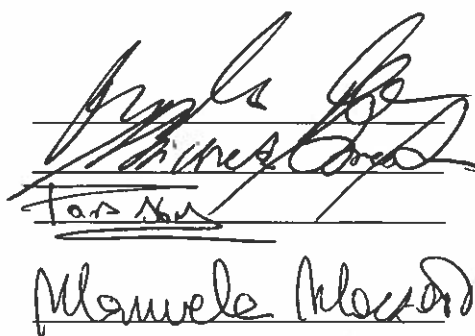
Dott. Pierpaolo Paba

Prof.ssa Michela Biancolella

Ing. Paolo Abundo

Il Segretario verbalizzante

Dr.ssa Manuela Marzetti



The block contains three handwritten signatures. The first signature is at the top, followed by a second signature, and a third signature at the bottom. The signatures are written in black ink on a white background.

ALL. 1

LOTTO 2	CRITERI OGGETTO DI VALUTAZIONE	ELITECHGROUP S.P.A.											
				Valore/Giudizio Descr. Pubs	Punteggio Descr. Pubs		Valore/Giudizio Descr. Binascolle	Punteggio Descr. Binascolle		Valore/Giudizio leg. Abondo	Punteggio leg. Abondo	Punteggio medio	Punteggio definitivo dopo revisione
	Indicatore di valutazione Strumentazione Rif A Routine	Punteggio Massimo	Modalità assegnazione punteggio										
1	Numero di analisi a DNA richiesti (Rif A) amplificazione su una unica sonda	3	(V minimo/V max) a punteggio max	13 analisi a DNA possono essere monitorate su una unica sonda	3	13 analisi a DNA possono essere monitorate su una unica sonda	3	13 analisi a DNA possono essere monitorate su una unica sonda	3	3	3	3	
2	Presenza di protocolli one-step per virus a RNA (Reclamare)	1	SI/NO	Per i virus a RNA sono previsti protocolli che prevedono una amplificazione One Step (PCR SI)	1	Sono previsti protocolli ONE-STEP PCR SI	1	Sono previsti protocolli ONE-STEP PCR SI	1	1	1	1	
3	Numero massimo di determinazioni a sonda erogabili su ciascuno strumento	3	(V minimo/V max) a punteggio max	In ogni prova che si fa su uno strumento 960 Fast DN e possibile caricare 91 campioni se si esegue un test quantitativo più di controllo negativo e 4 punti di calibrazione) e 94 campioni se si esegue un test qualitativo più un controllo negativo e uno positivo)	3	È possibile caricare 91 campioni per i test quantitativi e 94 per i qualitativi	3	È possibile caricare 91 campioni per i test quantitativi e 94 per i qualitativi	3	3	3	3	
4	Numero matrici valutate per gli analisi CMV ed EBV	5	(V minimo/V max) a punteggio max	Matrici valutate per CMV:sangue, plasma, liquido cefalo rachidiano, urina, tamponi buccali, liquido amniotico, lavaggio bronco alveolare (BAL) e Broncoaspirato (BA). Matrici valutate per EBV: sangue intero, plasma e liquori (liquido cefalo rachidiano).	5	Matrici valutate per CMV:sangue, plasma, liquido cefalo rachidiano, urina, tamponi buccali, liquido amniotico, lavaggio bronco alveolare (BAL) e Broncoaspirato (BA). Matrici valutate per EBV: sangue intero, plasma e liquori (liquido cefalo rachidiano).	5	Matrici valutate per CMV:sangue, plasma, liquido cefalo rachidiano, urina, tamponi buccali, liquido amniotico, lavaggio bronco alveolare (BAL) e Broncoaspirato (BA). Matrici valutate per EBV: sangue intero, plasma e liquori (liquido cefalo rachidiano).	5	5	5	5	
5	Capacità di fornire il massimo dei prodotti, per gli analisi richiesti, di proprietà produzione e distribuzione, al fine di ottimizzare il flusso di lavoro	5	(V minimo/V max) a punteggio max	15 prodotti su 19 prodotti offerti (79%) della tabella Rif. A sono di produzione ELITEchGroup S.p.A	5	15/19 prodotti offerti sono di produzione Elitech (Rif A).	5	15/19 prodotti offerti sono di produzione Elitech (Rif A).	5	5	5	5	
6	Formulata di protocolli standardizzati e validati, per i parametri richiesti, che permettano la completa automazione, con minimo intervento dell'operatore, su Quasymphony SP/AS presente in Laboratorio	5	Discrezionale	ELITEchGroup fornisce protocolli standardizzati e validati per il 60% dei prodotti offerti (12 su 19). I protocolli sono validati su Quasymphony SP/AS presente in laboratorio e ABI7500Fast (18 offerti da ELITEchGroup e permettono la completa automazione con minimo intervento dell'operatore. Il numero dei protocolli standardizzati sull'analizzatore presente in Laboratorio è giudicato BUONO)	0,6	ELITEchGroup fornisce 12 protocolli standardizzati e validati su Quasymphony SP/AS presente in laboratorio. Il numero dei protocolli standardizzati sull'analizzatore presente in laboratorio è giudicato BUONO	0,6	Si rileva che ELITEchGroup fornisce protocolli standardizzati e validati per il 60% dei prodotti offerti (12 su 19). I protocolli sono validati su Quasymphony SP/AS presente in laboratorio e ABI7500Fast (18 offerti da ELITEchGroup e permettono la completa automazione con minimo intervento dell'operatore. Si assegna BUONO)	0,6	0,6	3		
7	Utilizzo di sonde in grado di stabilire un legame con il DNA stabile e specifico (letteratura scientifica)	5	Discrezionale	Tutti i prodotti offerti sfruttano la tecnologia delle sonde Taqman in grado di stabilire un legame con il DNA stabile e specifico. In aggiunta, il 79% dei prodotti offerti possiede la molecola MGB (Minor Groove Binder), di cui ELITEchGroup è proprietaria, attaccata all'estremità 5' delle sonde. L'aggiunta della molecola MGB consente di migliorare la stabilità del legame con il DNA ma non tutti i prodotti offerti hanno questa tecnologia. Giudizio DISTINTO	0,8	Viene utilizzata, per i prodotti Elitech, una molecola chiamata MGB che si attacca all'estremità 5' delle sonde garantendo una migliore stabilità del legame con il DNA. Giudizio DISTINTO	0,8	Considerando che per i prodotti Elitech viene utilizzata una molecola chiamata MGB che si attacca all'estremità 5' delle sonde, garantendo una migliore stabilità del legame con il DNA, si assegna DISTINTO	0,8	0,8	4		
8	Sensibilità e Specificità dei parametri richiesti Rif A e B (documentare)	5	Discrezionale	Da una attenta analisi delle sensibilità e specificità si evidenzia che i parametri che sono coperti con i kit di produzione Elitech group presentano una ottima sensibilità e specificità anche su matrici diverse (CMV, EBV, VZV, BKV ecc.). I parametri per i quali invece vengono offerti kit non di produzione Elitech group la sensibilità e la specificità presentano valori accettabili ma non ottimali. Giudizio DISTINTO	0,8	La sensibilità e specificità dei prodotti offerti da Elitech sono ottime mentre quelle dei parametri non di produzione Elitech non presentano valori ottimali. Giudizio DISTINTO	0,8	Tenuto conto che la sensibilità e specificità dei prodotti di produzione Elitech sono ottime, mentre quelle dei parametri non di produzione Elitech non presentano valori ottimali, si assegna DISTINTO	0,8	0,8	4		
9	Flessibilità, ovvero se analisi disponibili (numero e tipologia)	4	(V minimo/V max) a punteggio max	Gli analisi disponibili in catalogo in totale sono 132	4	Sono disponibili 132 differenti analisi	4	Sono disponibili 132 differenti analisi	4	4	4	4	
10	Unità Internazionale per CMV, EBV, BKV, Parvovirus B19, HHV-8 e JC-V di diverse matrici (indicare nei manuali di utilizzo dei prodotti)	5	Discrezionale	Un fattore di conversione permette di esprimere i risultati quantitativi nelle Unità Internazionale per i seguenti prodotti di Elitech Group S.p.A.: CMV ELITE MGB Kit (codice RTK01SP1L), EBV ELITE MGB Kit (codice RTK02SP1L), Parvovirus ELITE MGB Kit (codice RTK03SP1L), BKV ELITE MGB Kit (codice RTK04SP1L), JC-V ELITE MGB Kit (codice RTK05SP1L), HHV-8 ELITE MGB Kit (RTK06SP1L), HHV-8 ELITE MGB Kit (codice RTK07SP1L), HHV-1 RNA ELITE MGB Kit (RTK08SP1L), Giudizio OTTIMO	1	Viene fornito un fattore di conversione copia/Unità Internazionale per i seguenti prodotti di Elitech: CMV ELITE MGB Kit, EBV ELITE MGB Kit, Parvovirus ELITE MGB Kit, BKV ELITE MGB Kit, JC-V ELITE MGB Kit, HHV-8 ELITE MGB Kit, HHV-1 RNA ELITE MGB Kit. Giudizio OTTIMO	1	Si rileva che viene fornito un fattore di conversione copia/Unità Internazionale per i seguenti prodotti di Elitech: CMV ELITE MGB Kit, EBV ELITE MGB Kit, Parvovirus ELITE MGB Kit, BKV ELITE MGB Kit, JC-V ELITE MGB Kit, HHV-8 ELITE MGB Kit, HHV-1 RNA ELITE MGB Kit. Si assegna OTTIMO	1	1	5		
11	Formulata di un elenco di installazioni di sistemi analitici esistenti ed in routine presso altri centri italiani comparabili, per numerosità di tipologie e quantità richieste, a quanto presente nel capitolo del PTV	3	Discrezionale	L'elenco fornito delle installazioni e validazioni in Sistema di routine (Rif A) e sistemi d'urgenza (Rif B). Per quanto riguarda il Rif A nonostante siano presenti laboratori di strutture importanti sono carenti in numerosità (3). Giudizio BUONO	0,6	I laboratori dove è presente il sistema Rif A, forniti nell'elenco sono solamente 8. Giudizio BUONO	0,6	Considerando che i laboratori dove è presente il sistema Rif A, forniti nell'elenco, sono solamente 8, si assegna BUONO	0,6	0,6	1,8		
	Indicatore di valutazione Strumentazione Rif B Urgenze	Punteggio Massimo	Modalità assegnazione punteggio										
12	Minimo Volume del campione utilizzato per l'estrazione	5	(V minimo/V massimo) a punteggio max	Lo strumento ELITE BeGenuus utilizza 20ul di campione per effettuare l'estrazione con le cassette di estrazione offerte (INTUO2SP20). Sfruttando la possibilità di estrarre da tubi di estrazione è possibile mettere solamente 20ul di campione in quanto, in questa modalità, lo strumento non necessita di volume morto	5	Lo strumento ELITE BeGenuus utilizza 20ul di campione. Parendo direttamente da tubo primario è possibile mettere solamente i 20ul di campione in quanto, in questa modalità, lo strumento non necessita di volume morto	5	Lo strumento ELITE BeGenuus utilizza 20ul di campione. Parendo direttamente da tubo primario è possibile mettere solamente i 20ul di campione in quanto, in questa modalità, lo strumento non necessita di volume morto	5	5	5	5	
13	Utilizzo di un unico kit di estrazione (DNA/RNA) validato su più matrici biologiche	6	Discrezionale	Il sistema di estrazione offerto ELITE BeGenuus SP 200 (codice INTUO2SP20) permette di estrarre contemporaneamente DNA umano, batterico e virale e RNA virale. Le matrici utilizzabili sono sangue intero raccolto in EDTA o acido citrico, urina, liquido cefalo-rachidiano (CSF), liquido amniotico, liquidi cavitari, campioni respiratori (Lavageo broncoalveolare/broncoaspirato ed espressioni), tamponi respiratori (tamponi nasali, tamponi tanger), tamponi buccali, tamponi cervico-vaginali, tamponi retali, feci, emocolture, biopsie, e aspirati gastrici. Giudizio BUONO	0,6	Il sistema di estrazione offerto ELITE BeGenuus permette di estrarre contemporaneamente DNA umano, batterico e virale e RNA virale da: sangue intero (EDTA o acido citrico), urina, liquido cefalo-rachidiano (CSF), liquido amniotico, liquidi cavitari, campioni respiratori (Lavageo broncoalveolare/broncoaspirato ed espressioni), tamponi respiratori (tamponi nasali, tamponi tanger), tamponi buccali, tamponi cervico-vaginali, tamponi retali, feci, emocolture, biopsie, e aspirati gastrici. Giudizio BUONO	0,6	Considerando che il sistema di estrazione offerto ELITE BeGenuus permette di estrarre contemporaneamente DNA umano, batterico e virale e RNA virale da sangue intero (EDTA o acido citrico), urina, liquido cefalo-rachidiano (CSF), liquido amniotico, liquidi cavitari, campioni respiratori (Lavageo broncoalveolare/broncoaspirato ed espressioni), tamponi respiratori (tamponi nasali, tamponi tanger), tamponi buccali, tamponi cervico-vaginali, tamponi retali, feci, emocolture, biopsie, e aspirati gastrici, si assegna BUONO	0,6	0,6	3,6		
14	Strumento in grado di eseguire tutte le fasi entro 5 ore	5	SI/NO	Lo strumento è in grado di completare tutte le fasi entro 5h. SI	5	Lo strumento è in grado di completare tutte le fasi entro 5h. SI	5	Lo strumento è in grado di completare tutte le fasi entro 5h. SI	5	5	5	5	
15	Strumento con relativo numero di calibranti e controlli	6	Discrezionale	Il Sistema ELITE BeGenuus permette di ridurre al minimo i costi necessari alla validazione delle sonde analitiche, in quanto consente di memorizzare la validazione dei risultati dei controlli dell'amplificazione (controlli positivi e controlli negativi) e se richiesti quelli di calibrazione (esclusivo per i saggi quantitativi) per ogni lotto di reagenti di amplificazione nel suo database. La validazione dei risultati dei controlli dell'amplificazione, approvati e memorizzati nel database, avrà una validità di circa 15 giorni. Il software ELITE BeGenuus necessita di una curva di calibrazione valida, approvata e memorizzata. La curva di calibrazione (o curva standard) viene generata dal software automaticamente. Le curve di calibrazione, approvate e memorizzate nel database, avranno una validità di circa 60 giorni. Giudizio BUONO	0,6	Il Sistema ELITE BeGenuus consente di memorizzare la validazione dei risultati dei controlli dell'amplificazione (controlli positivi e controlli negativi) e se richiesti quelli di calibrazione (esclusivo per i saggi quantitativi) per ogni lotto di reagenti di amplificazione nel suo database. La validazione dei risultati dei controlli dell'amplificazione avrà una validità di circa 15 giorni. La curva di calibrazione (o curva standard) viene generata dal software e avrà una validità di circa 60 giorni. Giudizio BUONO	0,6	Il Sistema ELITE BeGenuus può memorizzare la validazione dei risultati dei controlli dell'amplificazione (controlli positivi e controlli negativi) e se richiesti quelli di calibrazione (esclusivo per i saggi quantitativi) per ogni lotto di reagenti di amplificazione nel suo database. Si rileva che tale validazione dei risultati dei controlli dell'amplificazione avrà una validità di circa 15 giorni. Considerando anche che la curva di calibrazione (o curva standard) viene generata dal software e ha una validità di circa 60 giorni, si assegna BUONO	0,6	0,6	3,6		
16	Formulata di un elenco di installazioni di sistemi analitici esistenti ed in routine presso altri centri italiani comparabili, per numerosità di tipologie e quantità richieste, a quanto presente nel capitolo del PTV	2	Discrezionale	L'elenco fornito delle installazioni e validazioni in Sistema di routine (Rif A) e sistemi d'urgenza (Rif B). Per quanto riguarda il Rif B sia il numero che la tipologia dei laboratori presenti è ottima. Giudizio OTTIMO	1	I laboratori dove è presente il sistema Rif B forniti nell'elenco sono paragonabili per numero e caratteristiche al PTV. Giudizio OTTIMO	1	I laboratori elencati sono simili per numerosità e caratteristiche al PTV, si assegna pertanto OTTIMO	1	1	2		
	Indicatore di valutazione Strumentazione Rif A Rif B Assistenza tecnica	Punteggio Massimo	Modalità assegnazione punteggio										
17	Tempi di risoluzione intervento correttivo inferiore a quanto richiesto nel capitolo tecnico	2	(V minimo/V massimo) a punteggio max	I tempi di risoluzione indicati dal Fornitore indicano genericamente una tempistica di intervento inferiore alle 8 ore senza specificare quanto inferiore. In tutta la Regione Lazio sono presenti uno specialista di prodotto e un tecnico dello strumento.	2	Non vengono indicati tempi di risoluzione inferiore alle 8 ore richieste.	2	Non vengono indicati tempi di risoluzione inferiore alle 8 ore richieste.	2	2	2	2	
TOTALE										70	PUNTEGGIO TECNICO COMPLESSIVO		60,00

**“Procedura aperta in ambito comunitario, ai sensi dell’art. 60 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.,
espletata in modalità telematica, per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di
consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione
PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”**

Verbale n. 6
(Seduta riservata)

Il giorno 09 ottobre 2023, presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1 della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, si riunisce in seduta riservata la Commissione giudicatrice della procedura di cui al presente titolo.

Sono presenti tutti i membri della Commissione che risulta essere così composta:

Dott. Pierpaolo Paba	Presidente
Prof.ssa Michela Biancolella	Componente
Ing. Paolo Abundo	Componente

La Commissione riprende i lavori di competenza in merito all’analisi, esame e valutazione delle offerte tecniche presentate dai concorrenti ammessi alla procedura di gara.

In seduta odierna si procede ad effettuare le valutazioni inerenti le offerte presentate per il Lotto 3 dagli operatori RTI Roche Diagnostics S.P.A. – Elettrochimica ed Elitechgroup S.P.A., relativamente ai criteri dal n. 1 al n. 10, e riportate in dettaglio nel prospetto allegato al presente verbale quale parte integrante e sostanziale, dove sono riportate:

1. offerte presentate;
2. punteggi per singolo criterio (dal n.1 al n.10);
3. valutazioni effettuate dalla Commissione per i criteri sopra indicati, relativi giudizi assegnati e corrispondenti punteggi.

Le valutazioni effettuate dalla Commissione nella seduta odierna sono nel dettaglio riportate nel prospetto in formato excel (Allegato 1), allegato quale parte integrante e sostanziale al presente verbale di gara.

La seduta riservata viene chiusa alle ore 13:15.

Letto, approvato e sottoscritto.

La Commissione

Dott. Pierpaolo Paba

Prof.ssa Michela Biancolella

Ing. Paolo Abundo

Il Segretario verbalizzante

Dr.ssa Manuela Marzetti

The block contains three handwritten signatures. The first signature is at the top, followed by a second signature, and a third signature at the bottom. The third signature is written over a line that appears to be a stamp or a pre-printed name.

ELITTECHGROUP S.P.A.												
		Valore/Criterio Descr. Pubblica	Punteggio Descr. Pubblica	Valore/Criterio Descr. Biocatalit.	Punteggio Descr. Biocatalit.	Valore/Criterio Ing. Alimento	Punteggio Ing. Alimento	Valore/Criterio Ing. Medio	Punteggio Ing. Medio	Valore/Criterio Ing. Medio	Punteggio Ing. Medio	Punteggio definitivo (promediazione)
	CRITERI OGGETTO DI VALUTAZIONE											
	Esistere automatico di acidi nucleici	Punteggio Massimo	Modalità assegnazione punteggio									
1	Tempi di esecuzione estrazione automatizzata per almeno 24 campioni da 2ml per tubo	4	≤ 7" a tempo pieno e > 7" in meno punti 4 > 7" in meno punti 0	Il tempo richiesto per l'estrazione automatica è di 24 campioni e 60 min	4	Il tempo richiesto per l'estrazione automatica è di 24 campioni e 60 min	4	Il tempo richiesto per l'estrazione automatica è di 24 campioni e 70 min	4	Il tempo richiesto per l'estrazione automatica è di 24 campioni e 70 min	4	4
2	Facile di estrazione e trasferimento DNA fuori tubo in completa autonomia, senza necessità di agenti di precipitazione	4	SI/NO	La fase di estrazione e trasferimento avviene in completa autonomia SI	4	La fase di estrazione e trasferimento avviene in completa autonomia SI	4	La fase di estrazione e trasferimento avviene in completa autonomia SI	4	La fase di estrazione e trasferimento avviene in completa autonomia SI	4	4
3	Controllo delle contaminazioni con lampada UV	4	SI/NO	È presente lampada UV nella strumentazione offerta SI	4	È presente lampada UV nella strumentazione offerta SI	4	È presente lampada UV nella strumentazione offerta SI	4	È presente lampada UV nella strumentazione offerta SI	4	4
4	Possibilità di lavare grandi volumi di sangue estratto	6	> 1" a 1ml punti 6 < 4" a 1ml punti 0	Il volume di sangue estratto da cui si può lavare è di 1 ml.	6	Il volume di sangue estratto da cui si può lavare è di 1 ml.	6	Il volume di sangue estratto da cui si può lavare è di 1 ml.	6	Il volume di sangue estratto da cui si può lavare è di 1 ml.	6	6
5	Possibilità di lavare grandi volumi di plasma per DNA libero (dDNA)	4	> 1" a 1ml punti 4 > 1" a 1ml punti 2 < 4" a 1ml punti 0	Il volume di plasma utilizzabile per estrazione di DNA libero è di 1 ml.	0	Il volume di plasma utilizzabile per estrazione di DNA libero è di 1 ml.	0	Il volume di plasma utilizzabile per estrazione di DNA libero è di 1 ml.	0	Il volume di plasma utilizzabile per estrazione di DNA libero è di 1 ml.	0	0
2. Instrumentation Real Time per lo svolgimento delle reazioni analitiche												
	Tempi di analisi per la macchina											
6	Scand. FRET o Simple Probe	8	Scand. FRET o Simple Probe	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	8	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	8	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	8	Le sonde offerte sono Scand. FRET	8	8
7	Scand. Tag-Mia con MGB	8	Scand. Tag-Mia con MGB	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	8	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	8	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	8	Le sonde offerte sono Scand. FRET	8	8
8	Concentrazione minima di DNA richiesto	4	≤ 15 ng/ul punti 4 > 15 ng/ul punti 0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 20ng/ul	0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 20ng/ul	0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 20ng/ul	0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 5 ng/ul	4	4
9	Possibilità di utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in estratto	2	SI/NO	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in estratto SI	2	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in estratto SI	2	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in estratto SI	2	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in estratto SI	2	2
10	Possibilità di eseguire nella stessa sonda analitica i test richiesti quali Fattore V, Fattore II, MTHFR C67T, MTHFR A1298C, PPA1 mediante stesso profilo termico, permettendo di eseguire le singole mutazioni secondo richiesta cliente											
11	Scand. FRET o Simple Probe	4	Scand. FRET o Simple Probe	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	4	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	4	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	4	Le sonde offerte sono Scand. FRET	4	4
12	Scand. Tag-Mia con MGB	4	Scand. Tag-Mia con MGB	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	4	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	4	Le sonde offerte sono Scand. Tag-Mia con MGB	4	Le sonde offerte sono Scand. FRET	4	4
13	Concentrazione minima di DNA richiesto	4	≤ 15 ng/ul punti 4 > 15 ng/ul punti 0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 20ng/ul	0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 20ng/ul	0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 20ng/ul	0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 5 ng/ul	4	4
14	Possibilità di utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in estratto	2	SI/NO	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in estratto SI	2	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in estratto SI	2	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in estratto SI	2	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in estratto SI	2	2
15	Possibilità di eseguire nella stessa sonda analitica i test richiesti quali Fattore V, Fattore II, MTHFR C67T, MTHFR A1298C, PPA1 mediante stesso profilo termico, permettendo di eseguire le singole mutazioni secondo richiesta cliente											
16	Tempi di esecuzione analisi Real Time (escluso dell'intervallo manuale estrazione)	2	≤ 7" a 1ml punti 2 > 7" in meno punti 0	Le analisi Real Time richiede 90 min	2	Le analisi Real Time richiede 90 min	2	Le analisi Real Time richiede 110 min	2	Le analisi Real Time richiede 110 min	2	2

Handwritten signature and initials.

**“Procedura aperta in ambito comunitario, ai sensi dell’art. 60 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.,
espletata in modalità telematica, per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di
consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione
PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”**

**Verbale n. 7
(Seduta riservata)**

Il giorno 11 ottobre 2023, presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1 della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, si riunisce in seduta riservata la Commissione giudicatrice della procedura di cui al presente titolo.

Sono presenti tutti i membri della Commissione che risulta essere così composta:

Dott. Pierpaolo Paba	Presidente
Prof.ssa Michela Biancolella	Componente
Ing. Paolo Abundo	Componente

La Commissione riprende i lavori di competenza in merito all’analisi, esame e valutazione delle offerte tecniche presentate per il Lotto 3, relativamente ai criteri dal n. 11 al n. 18, e riportate in dettaglio nel prospetto allegato al presente verbale quale parte integrante e sostanziale, dove sono riportate:

1. offerte presentate;
2. punteggi per singolo criterio (criterio dal n. 11 al n. 18);
3. valutazioni effettuate dalla Commissione per i criteri sopra indicati, relativi giudizi assegnati e corrispondenti punteggi;
4. punteggi totali per offerta risultanti dalla somma dei punteggi assegnati a tutti i criteri di valutazione.

Le valutazioni effettuate dalla Commissione nella seduta odierna sono nel dettaglio riportate nel prospetto in formato excel (Allegato 1), allegato quale parte integrante e sostanziale al presente verbale di gara.

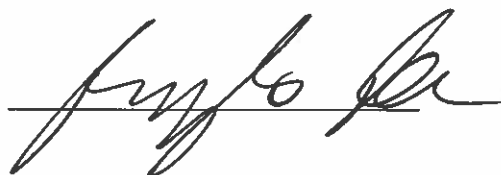
A chiusura delle valutazioni effettuate in data odierna, si evidenzia che il punteggio totale raggiunto dai concorrenti per l’offerta presentata, alla luce della somma dei punteggi assegnati per singolo criterio nella seduta odierna e nella precedente seduta riservata del 09/10/2023, è pari a 42,24 punti complessivi per l’offerta presentata dall’operatore economico Elitechgroup S.p.A. e pari a 70 punti complessivi per l’offerta presentata dall’operatore economico RTI Roche Diagnostics S.p.A. - Elettrobiocchimica (Allegato 2, parte integrante e sostanziale al presente verbale di gara).

Pertanto la Commissione ammette entrambi i concorrenti al prosieguo della procedura per aver raggiunto un punteggio superiore a 36 punti (soglia minima di merito tecnico).

La seduta riservata viene chiusa alle ore 14:30.

Letto, approvato e sottoscritto.

La Commissione
Dott. Pierpaolo Paba

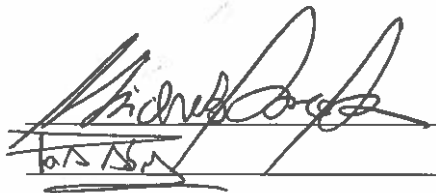


Prof.ssa Michela Biancolella

Ing. Paolo Abundo

Il Segretario verbalizzante

Dr.ssa Manuela Marzetti

A handwritten signature in black ink, appearing to read 'Paolo Abundo', written over a horizontal line.A handwritten signature in black ink, appearing to read 'Manuela Marzetti', written over a horizontal line.

ALL. 1

LIVELLO	CRITERI OGGETTO DI VALUTAZIONE			ELITTECHGROUP S.P.A.					RTI ROCHE DIAGNOSTICS S.P.A. - ElettroBIOCHIMICA																																																																																																																											
				Valore/Giudizio Dott. Paba	Punteggio Dott. Paba	Valore/Giudizio Dott.ssa Biancolella	Punteggio Dott.ssa Biancolella	Valore/Giudizio Ing. Abundo	Punteggio Ing. Abundo	Punteggio medio	Punteggio definitivo riparametrato	Valore/Giudizio Dott. Paba	Punteggio Dott. Paba	Valore/Giudizio Dott.ssa Biancolella	Punteggio Dott.ssa Biancolella	Valore/Giudizio Ing. Abundo	Punteggio Ing. Abundo	Punteggio medio	Punteggio definitivo riparametrato																																																																																																																	
11	Possibilità di genotipizzazione automatica dei campioni mediante confronto con standard a genotipo noto	1	SI/NO	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	1	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	1	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	1	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	1	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	1	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	1	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	1	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	1																																																																																																																	
12	Possibilità di eseguire in multiplex / o mediante stesso profilo termico per esami in urgenza	4	SI/NO	Per gli analisi nelnesso Fattore V, Fattore II e MTHFR677T viene offerto un prodotto che prevede una multiplex che consente di effettuare i test in urgenza. Ilgenus è dotato di 24 blocchi termici indipendenti che consentono di eseguire 24 test differenti nella medesima seduta. SI	4	Per i test Fattore V, Fattore II e MTHFR677T viene effettuata una multiplex che consente di effettuare i test in urgenza. Lo strumento ELITE BeGenius è in grado di eseguire l'intera seduta in circa 3 ore ed essendo dotato di 24 blocchi termici indipendenti, consente di eseguire 24 test differenti nella medesima seduta. SI	4	Si rileva che per i test Fattore V, Fattore II e MTHFR677T viene effettuata una multiplex che consente di effettuare i test in urgenza. Lo strumento ELITE BeGenius può eseguire l'intera seduta in circa 3 ore ed essendo dotato di 24 blocchi termici indipendenti, consente di eseguire 24 test differenti nella medesima seduta. SI	4	Il sistema cobas 8 z 480 consente di eseguire i test in multiplex / o mediante stesso profilo termico per esami in urgenza. SI	5	Il sistema cobas 8 z 480 consente di eseguire esami in urgenza, in quanto permette di effettuare i test in multiplex / o mediante stesso profilo termico. SI	5	Il sistema cobas 8 z 480 consente di eseguire esami in urgenza, in quanto permette di effettuare i test in multiplex / o mediante stesso profilo termico. SI	5	Il sistema cobas 8 z 480 consente di eseguire esami in urgenza, in quanto permette di effettuare i test in multiplex / o mediante stesso profilo termico. SI	5	Il sistema cobas 8 z 480 consente di eseguire esami in urgenza, in quanto permette di effettuare i test in multiplex / o mediante stesso profilo termico. SI	5																																																																																																																	
13	Determinazione tutti i tipi di alleli HLA dei loci DQA1* e DQB1* responsabili della codificazione degli eterodimeri DQ2 e DQ8 e degli alleli del locus DRB1* necessari per l'identificazione della suscettibilità genetica alla malattia Celiaca	1	SI/NO	Il kit VIASURE HLA Celiac Real Time PCR Detection Kit è basato sulla tecnologia RealTime ed è concepito per l'identificazione e la differenziazione simultanea e quadratica dei principali alleli HLA (DQA1*05, DQB1*03:02, DQB1*02, DQA1*02, DQB1*03 e altri alleli DQB1 differenti da DQB1*02) associati con la Celiachia in campioni di sangue. Mancano gli alleli del locus DRB1* NO	1	Il kit VIASURE HLA Celiac Real Time PCR Detection Kit permette l'identificazione dei seguenti alleli HLA: DQA1*05, DQB1*03:02, DQB1*02, DQA1*02, DQB1*03 e altri alleli DQB1 differenti da DQB1*02. Tuttavia non permette l'identificazione degli alleli del locus DRB1* NO	1	Il kit VIASURE HLA Celiac Real Time PCR Detection Kit permette l'identificazione dei seguenti alleli HLA: DQA1*05, DQB1*03:02, DQB1*02, DQA1*02, DQB1*03 e altri alleli DQB1 differenti da DQB1*02. Tuttavia non permette l'identificazione degli alleli del locus DRB1* NO	1	Il sistema permette il rilevamento con metodo PCR Real Time degli alleli codificanti gli aptotipi HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02) e DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11) con l'utilizzo di 10 µm per PCR RealTime adeguatamente predisposte. SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ2* (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), D

JB

9

14

LOTTO 3	CRITERI OGGETTO DI VALUTAZIONE	ELITTECHGROUP S.P.A.										
		Valore/Giudizio Dott. Paba	Punteggio Dott. Paba	Valore/Giudizio Dott.ssa Biancolella	Punteggio Dr.ssa Biancolella	Valore/Giudizio Ing. Abundo	Punteggio Ing. Abundo	Punteggio medio	Punteggio definitivo riparametrato			
	Estrattore automatico di acidi nucleici	Punteggio Massimo	Modalità assegnazione punteggio									
1	Tempi di esecuzione estrazione automatizzata per almeno 24 pazienti da sangue intero	4	</= a 70 minuti: punti 4 > 70 minuti: punti 0	Il tempo richiesto per l'estrazione automatica di 24 campioni è 60 min	4	Il tempo richiesto per l'estrazione automatica di 24 campioni è 60 min	4	Il tempo richiesto per l'estrazione automatica di 24 campioni è 60 min	4	4	4,00	
2	Fase di estrazione e trasferimento DNA Post-Fluon in completa automazione, senza intervento alcuno dell'operatore	3	SI/NO	La fase di estrazione e trasferimento avviene in completa automazione. SI	3	La fase di estrazione e trasferimento avviene in completa automazione. SI	3	La fase di estrazione e trasferimento avviene in completa automazione. SI	3	3	3,00	
3	Controllo delle contaminazioni con lampada UV	4	SI/NO	E' presente lampada UV nella strumentazione offerta. SI	4	E' presente lampada UV nella strumentazione offerta. SI	4	E' presente lampada UV nella strumentazione offerta. SI	4	4	4,00	
4	Possibilità di lavorare grandi volumi di sangue intero	6	>/= a 1ml: punti 6 < di 1 ml: punti 0	Il volume di sangue intero da cui si può lavorare è di 1 ml.	6	Il volume di sangue intero da cui si può lavorare è di 1 ml.	6	Il volume di sangue intero da cui si può lavorare è di 1 ml.	6	6	6,00	
5	Possibilità di lavorare grandi volumi di plasma per DNA libero (cfDNA)	4	>/= a 4ml punti 4 >/= a 2 ml punti 2 < di 1 ml punti 0	Il volume di plasma utilizzabile per estrazione di DNA libero è di 1 ml.	0	Il volume di plasma utilizzabile per estrazione di DNA libero è di 1 ml.	0	Il volume di plasma utilizzabile per estrazione di DNA libero è di 1 ml.	0	0	0,00	
	2 termociclatori Real Time per lo svolgimento delle sedute analitiche	Punteggio Massimo	Modalità assegnazione punteggio									
6	Tipologie di sonde per la rivelazione	8	Sonde FRET o Simple Probe: Punti 8 Sonde Taqman: punti 0	Le sonde offerte sono Sonde Taq Man con MGB	0	Le sonde offerte sono Sonde Taq Man con MGB	0	Le sonde offerte sono Sonde Taq Man con MGB	0	0	0,00	
7	Concentrazione minima di DNA richiesta	4	</= 15 ng/ul: punti 4 >15 ng/ul: punti 0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 20ng/ul	0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 20ng/ul	0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 20ng/ul	0	0	0,00	
8	Possibilità di utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in citrato	2	SI/NO	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in citrato. SI	2	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in citrato. SI	2	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in citrato. SI	2	2	2,00	
9	Possibilità di eseguire nella stessa seduta analitica i test richiesti quali Fattore V, Fattore II, MTHFR C677T, MTHFR A1298C, PAI mediante stesso profilo termico, permettendo di eseguire le singole mutazioni secondo richiesta clinica	6	Stesso profilo termico con possibilità di avere reagenti in viali diverse per rispondere alle diverse richieste cliniche: p. 6 Stesso profilo termico ma reagenti premiscelati in un'unica vial: punti 2 Diverso profilo termico: punti 0	1 reattivi offerti da ELITechGroup consentono di eseguire nella stessa seduta analitica tutti i test richiesti. Per quanto riguarda il prodotto fornito in modalità multiplex, è possibile avere degli assay protocol con canali oscurati in modo da poter visualizzare, e di conseguenza referitare, i risultati degli analiti singoli a seconda delle richieste. I reagenti per l'esecuzione dei test Fattore V e Fattore II sono premiscelati nella stessa vial.	2	E' possibile eseguire i test nella stessa seduta analitica, oscurando i canali degli analiti di non interesse. I reagenti per Fattore V, Fattore II e MTHFR C677T sono premiscelati in un'unica vial.	2	Si rileva la possibilità di eseguire i test nella stessa seduta analitica, oscurando i canali degli analiti di non interesse. I reagenti per Fattore V, Fattore II e MTHFR C677T sono premiscelati in un'unica vial.	2	2	2,00	
10	Tempi di esecuzione analisi Real-Time (escluso allestimento manuale reazioni)	2	</= a 100 minuti: punti 2 >100 minuti: punti 0	L'analisi Real Time richiede 90 min	2	L'analisi Real Time richiede 90 min	2	L'analisi Real Time richiede 90 min	2	2	2,00	
11	Possibilità di genotipizzazione automatica dei campioni mediante confronto con standard a genotipo noto	3	SI/NO	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	3	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	3	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	3	3	3,00	
12	Possibilità di eseguire in multiplex / o mediante stesso profilo termico per esami in urgenza	5	SI/NO	Per gli analiti richiesti Fattore V, Fattore II e MTHFR C677T viene offerto un prodotto che prevede una multiplex che consente di effettuare i test in urgenza. BeGenius è dotato di 24 blocchi termici indipendenti che consentono di eseguire 24 test differenti nella medesima seduta. SI	5	Per i test Fattore V, Fattore II e MTHFR C677T viene effettuata una multiplex che consente di effettuare i test in urgenza. Lo strumento ELITe BeGenius è in grado di eseguire l'intera seduta in circa 3 ore ed essendo dotato di 24 blocchi termici indipendenti, consente di eseguire 24 test differenti nella medesima seduta. SI	5	Si rileva che per i test Fattore V, Fattore II e MTHFR C677T viene effettuata una multiplex che consente di effettuare i test in urgenza. Lo strumento ELITe BeGenius può eseguire l'intera seduta in circa 3 ore ed essendo dotato di 24 blocchi termici indipendenti, consente di eseguire 24 test differenti nella medesima seduta. SI	5	5	5,00	
13	Determinazione tutti i tipi di alleli HLA dei loci DQA1* e DQB1* responsabili della codificazione degli eterodimeri DQ2 e DQ8 e degli alleli del locus DRB1* necessari per l'identificazione della suscettibilità genetica alla malattia Celiaca	5	SI/NO	Il Kit VIASURE HLA Celiac Real Time PCR Detection Kit è basato sulla tecnologia RealTime ed è concepito per l'identificazione e la differenziazione simultanea e qualitativa dei principali alleli HLA (DQA1*05, DQB1*03:02, DQB1*02, DQA1*02, DQA1*03 e altri alleli DQB1 differenti da DQB1*02) associati con la Celiachia in campioni di sangue. Mancano gli alleli del locus DRB1*. NO	0	Il Kit VIASURE HLA Celiac Real Time PCR Detection kit permette l'identificazione dei seguenti alleli HLA: DQA1*05, DQB1*03:02, DQB1*02, DQA1*02, DQA1*03 e altri alleli DQB1 differenti da DQB1*02. Tuttavia non permette l'identificazione degli alleli del locus DRB1*. NO	0	Il Kit VIASURE HLA Celiac Real Time PCR Detection kit permette l'identificazione dei seguenti alleli HLA: DQA1*05, DQB1*03:02, DQB1*02, DQA1*02, DQA1*03 e altri alleli DQB1 differenti da DQB1*02, permettendo quindi di determinare anche lo stato di un campione come omozigote o eterozigote per il solo allele HLA-DQB1*02. Tuttavia non permette l'identificazione degli alleli del locus DRB1*. NO	0	0	0,00	
14	Determinazione di tutti i genotipi HLA, anche quelli più rari, che determinano la suscettibilità genetica alla Malaria Celiaca e quindi anche il genotipo determinante l'omozigosi DQB1*02	3	Discrezionale	Il prodotto offerto per la rilevazione della suscettibilità alla celiachia consente la rilevazione e la differenziazione dei principali alleli HLA (DQA1*05, DQB1*03:02, DQB1*02, DQA1*02, DQA1*03 e altri alleli DQB1 diversi da DQB1*02). Con il prodotto offerto è possibile determinare lo stato di un campione come omozigote o eterozigote per l'allele HLA-DQB1*02. Giudizio Distinto	0,8	Il prodotto offerto consente di rilevare i principali alleli HLA (DQA1*05, DQB1*03:02, DQB1*02, DQA1*02, DQA1*03 e altri alleli DQB1 diversi da DQB1*02, permettendo quindi di determinare anche lo stato di un campione come omozigote o eterozigote per il solo allele HLA-DQB1*02. Giudizio: Distinto	0,8	Considerando che il prodotto offerto consente di rilevare i principali alleli HLA (DQA1*05, DQB1*03:02, DQB1*02, DQA1*02, DQA1*03 e altri alleli DQB1 diversi da DQB1*02), permettendo quindi di determinare anche lo stato di un campione come omozigote o eterozigote per il solo allele HLA-DQB1*02, si assegna Distinto	0,8	0,8	2,40	
15	Il Sistema offerto deve poter classificare i differenti genotipi determinati nelle 5 classi di rischio secondo il lavoro "HLA-DQ relative risks for coeliac disease in European populations"	4	Discrezionale	Il kit offerto non è in grado di identificare l'allele DQB1*0301 e di chiarire se l'allele DQB1*03:02 sia in omozigosi. Ciò permette di identificare 3 classi su 5 di quelle previste nel lavoro "HLA-DQ relative risks for coeliac disease in European populations". Giudizio BUONO	0,6	Non essendo in grado di identificare l'allele DQB1*0301 e di chiarire se l'allele DQB1*03:02 sia in omozigosi, il kit non permette di distinguere adeguatamente le classi di rischio di appartenenza secondo il lavoro "HLA-DQ relative risks for coeliac disease in European populations". Giudizio DISCRETO	0,4	Il kit non riesce a identificare l'allele DQB1*0301 e a chiarire se l'allele DQB1*03:02 sia in omozigosi; inoltre il kit non permette di distinguere adeguatamente le classi di rischio di appartenenza secondo il lavoro "HLA-DQ relative risks for coeliac disease in European populations", si assegna pertanto DISCRETO	0,4	0,4666667	1,84	
16	Il sistema offerto, per ciascun allele determinato in PRC, RT, dovrà disporre di un controllo interno (Beta Globina) in grado di verificare corretta procedura di estrazione e di amplificazione	3	SI/NO	Il sistema dispone di un controllo interno che controlla la fase estrattiva e di amplificazione. SI	3	Il sistema dispone di un controllo interno che controlla la fase estrattiva e di amplificazione. SI	3	Il sistema dispone di un controllo interno che controlla la fase estrattiva e di amplificazione. SI	3	3	3,00	
17	Il sistema offerto deve essere in grado di referitare automaticamente ed interfacciarsi al L.I.S.	2	SI/NO	La referitazione avviene automaticamente e il risultato si interfaccia con il L.I.S. SI	2	La referitazione avviene automaticamente e il risultato si interfaccia con il L.I.S. SI	2	La referitazione avviene automaticamente e il risultato si interfaccia con il L.I.S. SI	2	2	2,00	
18	Il Sistema offerto deve presentare adeguata certificazione da Ente notificatore esterno	2	Discrezionale (fornire idonea documentazione)	Il sistema offerto (prodotti e strumenti) da ELITechGroup possiedono adeguata certificazione da Ente notificatore esterno. Giudizio: Ottimo. DEKRA Certification BV	1	Il sistema offerto (prodotti e strumenti) da ELITechGroup possiedono adeguata certificazione da Ente notificatore esterno. Giudizio: Ottimo. DEKRA Certification BV	1	Si rileva che il sistema offerto (prodotti e strumenti) da ELITechGroup possiede adeguata certificazione da Ente notificatore esterno (DEKRA Certification BV), si assegna OTTIMO	1	1	2,00	
TOTALE		70				PUNTEGGIO TECNICO COMPLESSIVO						42,24

LOTTO 3	CRITERI OGGETTO DI VALUTAZIONE	RTI ROCHE DIAGNOSTICS S.P.A. - ELETTROBIOCHIMICA									
				Valore/Giudizio Dott. Paba	Punteggio Dott. Paba	Valore/Giudizio Dott.ssa Biancolella	Punteggio Dott.ssa Biancolella	Valore/Giudizio Ing. Abundo	Punteggio Ing. Abundo	Punteggio medio	Punteggio definitivo riparametro
	Esattore automatico di acidi nucleici	Punteggio Massimo	Modalità assegnazione punteggio								
1	Tempi di esecuzione estrazione automatizzata per almeno 24 pazienti da sangue intero	4	</= a 70 minuti: punti 4 > 70 minuti: punti 0	Il tempo richiesto per l'estrazione automatica di 24 campioni è 70 min	4	Il tempo richiesto per l'estrazione automatica di 24 campioni è 70 min	4	Il tempo richiesto per l'estrazione automatica di 24 campioni è 70 min	4	4	4
2	Fase di estrazione e trasferimento DNA Post-Elution in completa automazione, senza intervento alcuno dell'operatore	3	SI/NO	La fase di estrazione e trasferimento avviene in completa automazione. SI	3	La fase di estrazione e trasferimento avviene in completa automazione. SI	3	La fase di estrazione e trasferimento avviene in completa automazione. SI	3	3	3
3	Controllo delle contaminazioni con lampada UV	4	SI/NO	E' presente lampada UV nella strumentazione offerta. SI	4	E' presente lampada UV nella strumentazione offerta. SI	4	E' presente lampada UV nella strumentazione offerta. SI	4	4	4
4	Possibilità di lavorare grandi volumi di sangue intero	6	>/= a 1ml: punti 6 < di 1 ml: punti 0	Il volume di sangue intero da cui si può lavorare è di 1 ml.	6	Il volume di sangue intero da cui si può lavorare è di 1 ml.	6	Il volume di sangue intero da cui si può lavorare è di 1 ml.	6	6	6
5	Possibilità di lavorare grandi volumi di plasma per DNA libero (gDNA)	4	>/= a 4ml: punti 4 >/= a 2 ml: punti 2 < di 1 ml: punti 0	Il volume di plasma utilizzabile per estrazione di DNA libero è di 4 ml.	4	Il volume di plasma utilizzabile per estrazione di DNA libero è di 4 ml.	4	Il volume di plasma utilizzabile per estrazione di DNA libero è di 4 ml.	4	4	4
	2 termociclatori Real Time per lo svolgimento delle sedute analitiche	Punteggio Massimo	Modalità assegnazione punteggio								
6	Tipologie di sonde per la rivelazione	8	Sonde FRET o Simple Probe: Punt 8 Sonde Taqman: punti 0	Le sonde offerte sono Sonde FRET	8	Le sonde offerte sono Sonde FRET	8	Le sonde offerte sono Sonde FRET	8	8	8
7	Concentrazione minima di DNA richiesta	4	</= 15 ng/ul: punti 4 >15 ng/ul: punti 0	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 5 ng/ul	4	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 5 ng/ul	4	La concentrazione di DNA minima richiesta è di 5 ng/ul	4	4	4
8	Possibilità di utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in citrato	2	SI/NO	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in citrato. SI	2	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in citrato. SI	2	Si può utilizzare DNA estratto da sangue prelevato in citrato. SI	2	2	2
9	Possibilità di eseguire nella stessa seduta analitica i test richiesti quali: Fattore V, Fattore II, MTHFR C677T, MTHFR A1298C, PAI	6	Stesso profilo termico con possibilità di avere reagenti in vials diverse per rispondere alle diverse richieste cliniche: p. 6 Stesso profilo termico ma reagenti premiscelati in un'unica vial: punti 2 Diverso profilo termico: punti 0	I test richiesti per l'analisi dei parametri quali: Fattore V, Fattore II, MTHFR C677T, MTHFR A1298C, PAI utilizzano lo stesso profilo termico e possono essere eseguiti nella stessa seduta analitica. Come richiesto, in aggiunta, tutti i test richiesti sono contenuti in vials diverse, permettendo agli operatori di eseguire le singole mutazioni secondo richiesta clinica.	6	I test richiesti per l'analisi di test quali: Fattore V, Fattore II, MTHFR C677T, MTHFR A1298C e PAI possono essere eseguiti nella stessa seduta analitica, in quanto utilizzano lo stesso profilo termico. I reagenti sono in vials diverse, permettendo di effettuare i singoli test per rispondere alle diverse richieste cliniche.	6	Si rileva che i test richiesti per l'analisi di test quali: Fattore V, Fattore II, MTHFR C677T, MTHFR A1298C e PAI possono essere eseguiti nella stessa seduta analitica, in quanto utilizzano lo stesso profilo termico. I reagenti sono in vials diverse, permettendo di effettuare i singoli test per rispondere alle diverse richieste cliniche.	6	6	6
10	Tempi di esecuzione analisi Real-Time (escluso allestimento manuale reazioni)	2	</= a 100 minuti: punti 2 >100 minuti: punti 0	L'analisi Real Time richiede 100 min	2	L'analisi Real Time richiede 100 min	2	L'analisi Real Time richiede 100 min	2	2	2
11	Possibilità di genotipizzazione automatica dei campioni mediante confronto con standard a genotipo noto	3	SI/NO	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	3	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	3	E' possibile genotipizzare automaticamente tramite confronto con standard noto. SI	3	3	3
12	Possibilità di eseguire in multiplex / o mediante stesso profilo termico per esami in urgenza	5	SI/NO	Il sistema cobas® z 480 consente di eseguire i test in multiplex / o mediante stesso profilo termico per esami in urgenza. SI	5	Il sistema cobas® z 480 consente di eseguire esami in urgenza, in quanto permette di effettuare i test in multiplex / o mediante stesso profilo termico. SI	5	Il sistema cobas® z 480 consente di eseguire esami in urgenza, in quanto permette di effettuare i test in multiplex / o mediante stesso profilo termico. SI	5	5	5
13	Determinazione tutti i tipi di alleli HLA dei loci DQA1* e DQB1* responsabili della codificazione degli eterodimeri DQ2 e DQ8 e degli alleli del locus DRB1* necessari per l'identificazione della suscettibilità genetica alla malattia Celiaca	5	SI/NO	Il sistema permette il rilevamento con metodo PCR Real Time degli alleli codificanti gli aptotipi HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ7 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11) con l'utilizzo di 16 rxn per PCR RealTime adeguatamente predisposte. SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ7 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	Il sistema permette il rilevamento dei seguenti alleli: HLA DQ2 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*02 e DQA1*02:01/DQB1*02), DQ8 (codificato dagli alleli DQA1*03/DQB1*03:02), DQ7 (codificato dagli alleli DQA1*05/DQB1*03:01), DR3 (codificato dagli alleli DRB1*03), DR4 (codificato dagli alleli DRB1*04), DR7 (codificato dagli alleli DRB1*07) e DR11 (codificato dagli alleli DRB1*11). SI	5	5	5
14	Determinazione di tutti i genotipi HLA, anche quelli più rari, che determinano la suscettibilità genetica alla Malattia Celiaca e quindi anche il genotipo determinante l'omozigosità DQB1*02	3	Discrezionale	Il test consente di rilevare tutti i genotipi possibili, anche quelli più rari, sia per rilevamento diretto di tutti gli alleli dei loci DQA1 e DQB1, sia mediante un linkage disequilibrium costruito ad hoc, per un totale di 300 combinazioni comprese le omozigosi, ovvero di identificare gli aptotipi HLA DQ2 e DQ8 (anche quelli meno frequenti), oltre a DQ4, DQ5, DQ6, DQ7, DQ9. Inoltre il test permette di determinare l'allele DQB1*03:05 (per discriminare i soggetti con aptotipo DQ8 non a rischio di suscettibilità alla malattia), gli alleli codificanti per DR3 (DRB1*03), DR4 (DRB1*04), DR7 (DRB1*07) e DR5 (DRB1*11), e lo stato di omozigosi o eterozigosi dell'allele DQB1*02. Giudizio OTTIMO	3	Il test consente di rilevare tutti i genotipi possibili, anche quelli più rari, sia per rilevamento diretto di tutti gli alleli dei loci DQA1 e DQB1, sia mediante un linkage disequilibrium costruito ad hoc, permettendo di identificare gli aptotipi HLA DQ2 e DQ8 (anche quelli meno frequenti), oltre a DQ4, DQ5, DQ6, DQ7, DQ9. Inoltre il test permette di determinare l'allele DQB1*03:05 (per discriminare i soggetti con aptotipo DQ8 non a rischio di suscettibilità alla malattia), gli alleli codificanti per DR3 (DRB1*03), DR4 (DRB1*04), DR7 (DRB1*07) e DR5 (DRB1*11), e lo stato di omozigosi o eterozigosi dell'allele DQB1*02. Giudizio OTTIMO	3	Il test consente di rilevare tutti i genotipi possibili, anche quelli più rari, sia per rilevamento diretto di tutti gli alleli dei loci DQA1 e DQB1, sia mediante un linkage disequilibrium costruito ad hoc, permettendo di identificare gli aptotipi HLA DQ2 e DQ8 (anche quelli meno frequenti), oltre a DQ4, DQ5, DQ6, DQ7, DQ9. Inoltre il test permette di determinare l'allele DQB1*03:05 (per discriminare i soggetti con aptotipo DQ8 non a rischio di suscettibilità alla malattia), gli alleli codificanti per DR3 (DRB1*03), DR4 (DRB1*04), DR7 (DRB1*07) e DR5 (DRB1*11), e lo stato di omozigosi o eterozigosi dell'allele DQB1*02. Di conseguenza il sistema permette la classificazione nelle 5 classi di rischio. Giudizio OTTIMO	3	3	3
15	Il Sistema offerto deve poter classificare i differenti genotipi determinati nelle 5 classi di rischio secondo il lavoro "HLA-DQ2 related risks for celiac disease in European populations"	4	Discrezionale	Il test offerto permette di rilevare tutti i genotipi possibili, anche quelli più rari. Inoltre il test permette di determinare l'allele DQB1*03:05 (per discriminare i soggetti con aptotipo DQ8 non a rischio di suscettibilità alla malattia), gli alleli codificanti per DR3 (DRB1*03), DR4 (DRB1*04), DR7 (DRB1*07) e DR5 (DRB1*11), e lo stato di omozigosi o eterozigosi dell'allele DQB1*02. Tutte queste caratteristiche permettono la classificazione nelle 5 classi di rischio. Giudizio OTTIMO	4	Il test consente di rilevare tutti i genotipi possibili, anche quelli più rari, sia per rilevamento diretto di tutti gli alleli dei loci DQA1 e DQB1, sia mediante un linkage disequilibrium costruito ad hoc, permettendo di identificare gli aptotipi HLA DQ2 e DQ8 (anche quelli meno frequenti), oltre a DQ4, DQ5, DQ6, DQ7, DQ9. Inoltre il test permette di determinare l'allele DQB1*03:05 (per discriminare i soggetti con aptotipo DQ8 non a rischio di suscettibilità alla malattia), gli alleli codificanti per DR3 (DRB1*03), DR4 (DRB1*04), DR7 (DRB1*07) e DR5 (DRB1*11), e lo stato di omozigosi o eterozigosi dell'allele DQB1*02. Di conseguenza il sistema permette la classificazione nelle 5 classi di rischio. Giudizio OTTIMO	4	Il test consente di rilevare tutti i genotipi possibili, anche quelli più rari, sia per rilevamento diretto di tutti gli alleli dei loci DQA1 e DQB1, sia mediante un linkage disequilibrium costruito ad hoc, permettendo di identificare gli aptotipi HLA DQ2 e DQ8 (anche quelli meno frequenti), oltre a DQ4, DQ5, DQ6, DQ7, DQ9. Inoltre il test permette di determinare l'allele DQB1*03:05 (per discriminare i soggetti con aptotipo DQ8 non a rischio di suscettibilità alla malattia), gli alleli codificanti per DR3 (DRB1*03), DR4 (DRB1*04), DR7 (DRB1*07) e DR5 (DRB1*11), e lo stato di omozigosi o eterozigosi dell'allele DQB1*02. Di conseguenza il sistema permette la classificazione nelle 5 classi di rischio. Si assegna OTTIMO	4	4	4
16	Il sistema offerto, per ciascun allele determinato in PRC/RT, dovrà disporre di un controllo interno (beta globina) in grado di verificare corretta procedura di estrazione e di amplificazione	3	SI/NO	Il sistema dispone di un controllo interno che controlla la fase estrattiva e di amplificazione. SI	3	Il sistema dispone di un controllo interno che controlla la fase estrattiva e di amplificazione. SI	3	Il sistema dispone di un controllo interno che controlla la fase estrattiva e di amplificazione. SI	3	3	3
17	Il sistema offerto deve essere in grado di referitare automaticamente ed interfacciarsi al LIS	2	SI/NO	La referitazione avviene automaticamente e il risultato si interfaccia con il LIS. SI	2	La referitazione avviene automaticamente e il risultato si interfaccia con il LIS. SI	2	La referitazione avviene automaticamente e il risultato si interfaccia con il LIS. SI	2	2	2
18	Il Sistema offerto deve presentare adeguata certificazione da Ente notificatore esterno	2	Discrezionale (fornire idonea documentazione)	Il sistema offerto possiede le certificazioni richieste. Ente certificatore UL Solution. Giudizio OTTIMO	2	Il sistema offerto possiede le certificazioni richieste. Ente certificatore UL Solution. Giudizio OTTIMO	2	Si rileva che il sistema offerto possiede le certificazioni richieste (Ente certificatore UL Solution), si assegna OTTIMO	2	2	2
TOTALE		70									70
PUNTEGGIO TECNICO COMPLESSIVO											70

**“Procedura aperta in ambito comunitario, ai sensi dell’art. 60 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.,
espletata in modalità telematica, per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di
consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione
PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”**

**Verbale n. 8
(Seduta riservata)**

Il giorno 26 ottobre 2023, presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1 della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, si riunisce in seduta riservata la Commissione giudicatrice della procedura di cui al presente titolo.

Sono presenti tutti i membri della Commissione che risulta essere così composta:

Dott. Pierpaolo Paba	Presidente
Prof.ssa Michela Biancolella	Componente
Ing. Paolo Abundo	Componente

La Commissione, dopo attenta rilettura ed analisi di tutte le schede, allegati e di tutti i file componenti le offerte tecniche presentate dagli operatori economici Becton Dickinson Italia e bioMérieux Italia S.p.A. per il Lotto 4, riprende i lavori di competenza in merito alla valutazione e all’assegnazione dei punteggi di detto Lotto, relativamente ai criteri dal n. 1 al n. 6, riportate in dettaglio nel prospetto allegato al presente verbale quale parte integrante e sostanziale, dove sono indicate:

1. offerte presentate;
2. punteggi per singolo criterio (dal n.1 al n.6);
3. valutazioni effettuate dalla Commissione per i criteri sopra indicati, relativi giudizi assegnati e corrispondenti punteggi.

Le valutazioni effettuate dalla Commissione nella seduta odierna sono nel dettaglio riportate nel prospetto in formato excel (Allegato 1), allegato quale parte integrante e sostanziale al presente verbale di gara.

La seduta riservata viene chiusa alle ore 13:15.

Letto, approvato e sottoscritto.

La Commissione

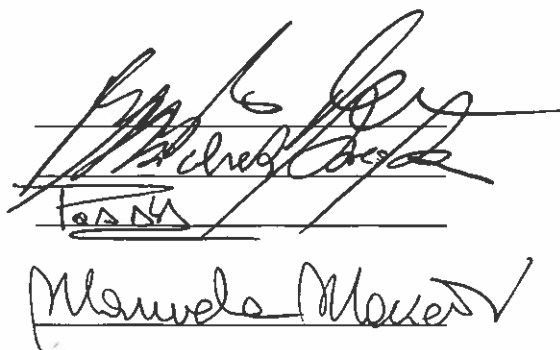
Dott. Pierpaolo Paba

Prof.ssa Michela Biancolella

Ing. Paolo Abundo

Il Segretario verbalizzante

Dr.ssa Manuela Marzetti



The block contains three handwritten signatures. The top two are for the members of the Commission: Pierpaolo Paba and Michela Biancolella. The bottom signature is for the secretary, Manuela Marzetti, and is followed by a checkmark.

**“Procedura aperta in ambito comunitario, ai sensi dell’art. 60 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.,
espletata in modalità telematica, per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di
consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione
PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”**

Verbale n. 9
(Seduta riservata)

Il giorno 02 novembre 2023, presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1 della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, si riunisce in seduta riservata la Commissione giudicatrice della procedura di cui al presente titolo.

Sono presenti tutti i membri della Commissione che risulta essere così composta:

Dott. Pierpaolo Paba	Presidente
Prof.ssa Michela Biancolella	Componente
Ing. Paolo Abundo	Componente

La Commissione riprende i lavori di competenza in merito all’analisi, esame e valutazione delle offerte tecniche presentate dai concorrenti per il Lotto 4, relativamente ai criteri dal n. 7 al n. 20, e riportate in dettaglio nel prospetto allegato al presente verbale quale parte integrante e sostanziale, dove sono indicate:

1. offerte presentate;
2. punteggi per singolo criterio (dal n.7 al n.20);
3. valutazioni effettuate dalla Commissione per i criteri sopra indicati, relativi giudizi assegnati e corrispondenti punteggi;
4. punteggi totali per offerta risultanti dalla somma dei punteggi assegnati a tutti i criteri di valutazione.

Le valutazioni effettuate dalla Commissione nella seduta odierna sono nel dettaglio riportate nel prospetto in formato excel (Allegato 1), allegato quale parte integrante e sostanziale al presente verbale di gara.

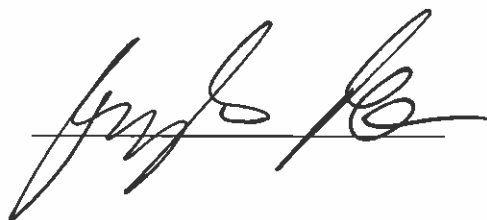
A chiusura delle valutazioni effettuate in data odierna, si evidenzia che il punteggio totale raggiunto dai concorrenti per l’offerta presentata, alla luce della somma dei punteggi assegnati per singolo criteri nella seduta odierna e nella precedente seduta riservata del 26/10/2023, è pari a 47,13 punti complessivi per l’offerta presentata dall’operatore economico Becton Dickinson Italia e pari a 63,42 punti complessivi per l’offerta presentata da bioMérieux Italia S.p.A (Allegato 2, parte integrante e sostanziale al presente verbale di gara).

Pertanto la Commissione ammette entrambi i concorrenti al prosieguo della procedura per aver raggiunto un punteggio superiore a 36 punti (soglia minima di merito tecnico).

La seduta riservata viene chiusa alle ore 13:15.

Letto, approvato e sottoscritto.

La Commissione
Dott. Pierpaolo Paba

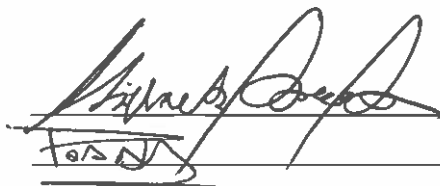


Prof.ssa Michela Biancolella

Ing. Paolo Abundo

Il Segretario verbalizzante

Dr.ssa Manuela Marzetti

A handwritten signature in black ink, appearing to read 'Paolo Abundo', written over two horizontal lines.A handwritten signature in black ink, appearing to read 'Manuela Marzetti', written over two horizontal lines.

PUNTEGGIO TECNICO COMPLESSIVO

PUNTEGGIO TECNICO COMPLESSIVO

**“Procedura aperta in ambito comunitario, ai sensi dell’art. 60 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.,
espletata in modalità telematica, per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di
consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione
PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”**

Verbale n. 10

(Seduta pubblica virtuale)

Alle ore 11:00 del giorno 17 novembre 2023, presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1° della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, si riunisce in seduta pubblica virtuale la Commissione giudicatrice della procedura di cui al presente titolo.

Sono presenti tutti i membri della Commissione e il segretario verbalizzante.

La Commissione accede alla piattaforma S.TEL.LA. tramite l’utenza del Presidente e avvia la seduta pubblica virtuale.

A seguito della valutazione di merito tecnico di cui alle sedute riservate, la Commissione ha provveduto a riportare sulla piattaforma di negoziazione i punteggi tecnici totali per offerta presentata.

Come previsto dal Disciplinare di gara, la Commissione giudicatrice avvia le operazioni di sblocco delle Buste economiche per le offerte ammesse a tale fase di gara, procedendo, ad aprire le offerte economiche inserite dai concorrenti direttamente sulla piattaforma S.TEL.LA.

A seguito dei succitati adempimenti telematici, risultano determinati, dalla piattaforma di negoziazione, i punteggi complessivi risultanti dalla somma dei punteggi tecnici totali e dei punteggi economici, come riportato in prospetto estratto dalla piattaforma e allegato al presente verbale affinché ne costituisca parte integrante e sostanziale (All.1).

Verificata la non applicabilità, nel caso di specie, del disposto dell’art. 97, comma 3 del Codice, la Commissione non procede alla valutazione circa l’anomalia dell’offerta e formula la proposta di aggiudicazione e chiude le operazioni di gara.

La Commissione trasmette al Rup tutti gli atti e documenti ai fini dei successivi adempimenti, inerenti altresì la verifica da effettuare relativamente ai costi della manodopera di cui all’offerta dei concorrenti risultati primi in graduatoria, ai sensi dell’art. 95, comma 10 secondo periodo del codice, per valutarne la congruità in rapporto all’entità dell’offerta e del servizio dell’appalto.

La seduta pubblica virtuale viene chiusa alle ore 12:15.

La Commissione

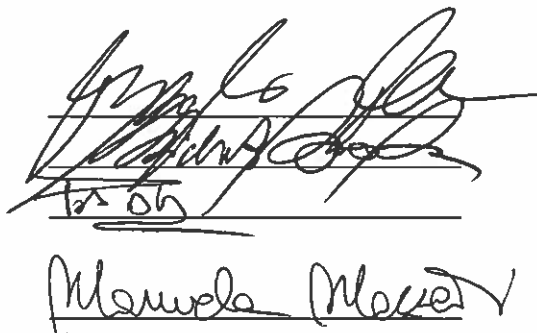
Dott. Pierpaolo Paba

Prof.ssa Michele Biancolella

Ing. Paolo Abundo

Il Segretario verbalizzante

Dr.ssa Manuela Marzetti



The block contains two handwritten signatures. The top signature is a complex, stylized cursive signature, likely belonging to the President of the Commission. Below it is a second signature, which appears to be 'Manuela Marzetti', written in a more legible cursive script. Both signatures are written over horizontal lines, possibly representing the names of the signatories in a printed list.

ALL. 1

Numero Lotto	Fornitore	Stato Offerta	Punteggio Totale	Punteggio Tecnico	Punteggio Economico	Valore Offerta
1	ROCHE DIAGNOSTICS S.p.A.	Aggiudicatario proposto	94,40	64,40	30,00	359.100,00 €
2	ELITECHGROUP S.P.A.	Aggiudicatario proposto	90,00	60,00	30,00	1.153.035,00 €
3	RTI ROCHE DIAGNOSTICS S.p.A. - ELETTROBIOCHIMICA	Aggiudicatario proposto	94,32	70,00	24,32	409.724,28 €
3	ELITECHGROUP S.P.A.	II Classificato	72,24	42,24	30,00	332.133,24 €
4	bioMérieux Italia SPA	Aggiudicatario proposto	90,81	63,42	27,39	647.823,00 €
4	BECTON DICKINSON ITALIA	II Classificato	77,13	47,13	30,00	591.517,50 €

“Procedura aperta in ambito comunitario, ai sensi dell’art. 60 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i., espletata in modalità telematica, per l’affidamento della fornitura di sistemi e di materiale di consumo per la UOC Medicina di Laboratorio e la UOC Genetica Medica della Fondazione PTV Policlinico Tor vergata, suddivisa in 4 Lotti”

Verbale n. 11

(Seduta riservata)

Il giorno 29/11/2023 alle ore 10:00, presso la UOC Acquisizione forniture, servizi e lavori, sita al piano 1 della Fondazione PTV Policlinico Tor Vergata, è presente il Responsabile Unico del Procedimento, Dr.ssa Flavia Conte, nominata con Deliberazione n. 533 del 05.05.2023.

Il Rup, a seguito di richiesta inviata agli aggiudicatari provvisori della procedura in oggetto, a mezzo Sistema in data 24/11/2023, avente ad oggetto “la trasmissione di tutti gli elementi necessari alla ricostruzione del costo della manodopera sopportato dall’impresa per l’esecuzione di quanto proposto con l’offerta prodotta in gara”, accedendo alla Piattaforma S.TEL.LA., procede a verificare la documentazione inviata dagli operatori economici.

All’esito della verifica, effettuata ai sensi dell’art. 95, comma 10 secondo periodo del Codice, il RUP ritiene complessivamente congruo il costo della manodopera di cui alle offerte di tutti gli aggiudicatari provvisori, in rapporto all’entità dell’offerta e della fornitura dell’appalto.

La seduta riservata si chiude alle 13:10.

Letto, approvato e sottoscritto.

Il Rup:

Dr.ssa Flavia Conte

